Transcriptómica RNA-seq

microomics®
Small things that matter.

Servicio de análisis de los niveles de expresión génica en diferentes condiciones experimentales. Además, se realiza un análisis de enriquecimiento para facilitar la interpretación de los resultados.

El **transcriptoma** es el conjunto de **moléculas de ARN** presentes en un **ambiente** celular en un momento determinado. La mayoría de este ARN proviene de la transcripción de los genes activos bajo unas condiciones ambientales concretas. La **secuenciación** del transcriptoma permite detectar esos **genes activos**, su **nivel de expresión** y comprobar si ciertas vías metabólicas están más o menos **enriquecidas** bajo condiciones específicas.

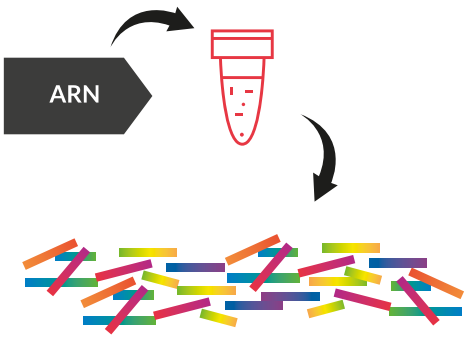
Consultoría y Diseño del Estudio

Asesoramiento científico-técnico personalizado por parte de nuestros expertos en transcriptómica para:

- Diseño experimental
- Recogida de muestras
- Seguimiento del proyecto
- Reunión de entrega de resultados
- Redacción o revisión de publicaciones

Laboratorio de Biología Molecular

Un equipo altamente cualificado con amplia experiencia en metagenómica llevará a cabo:



Control de calidad de las muestras

Recepción de ARN

- ARN ya extraído a partir de 1.000 ng
  - Volumen mínimo 25 µl
  - Concentración mínima 100 ng/µl
  - Pureza: OD060/280 =2.0 – 2.2
    ODD260/230 = 2.0

Tipo de Librerías

- Protocolo Eucariota: selección mediante cola poliA
- Protocolo *low input*
- Protocolo Procariota: selección mediate ribodepleción

Control de calidad de las librerías

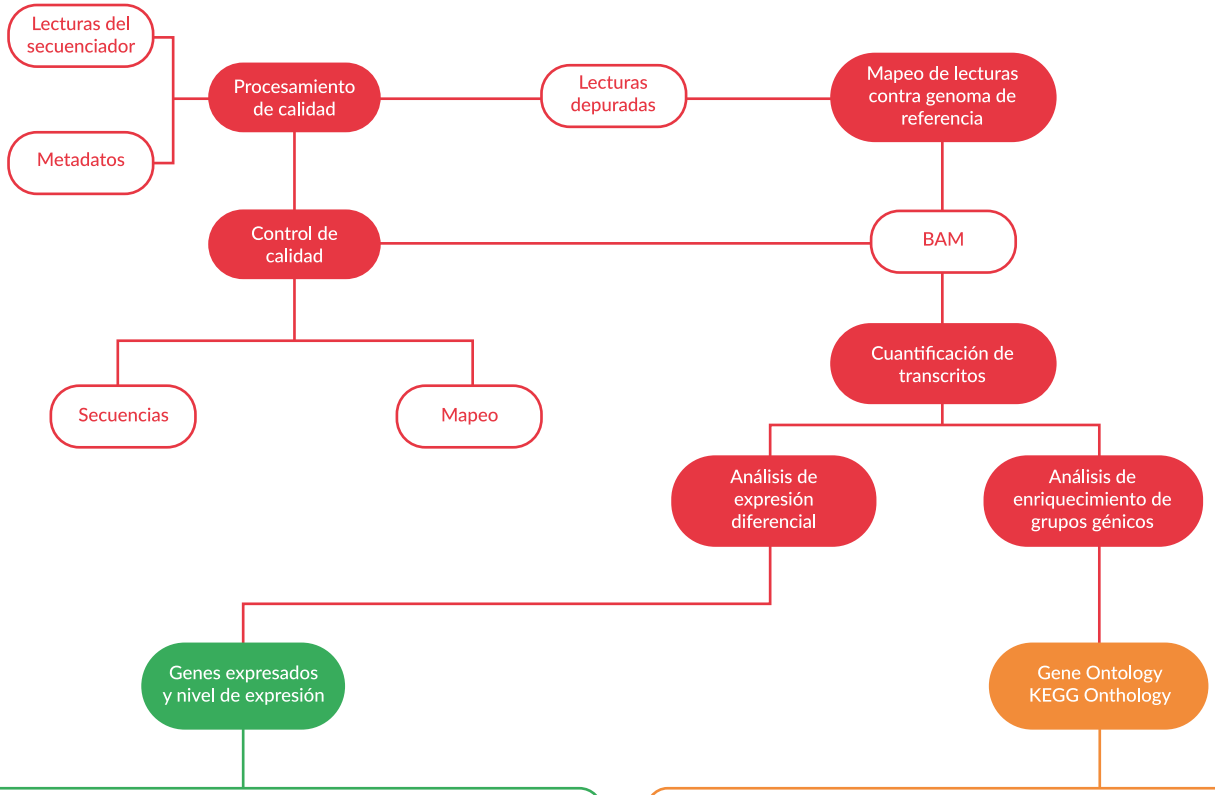
Secuenciación

- Illumina NovaSeq 2x150 pb
- 40 millones de lecturas (20M paired-end) garantizadas por muestra.

© 2025 Microomics Systems S.L.

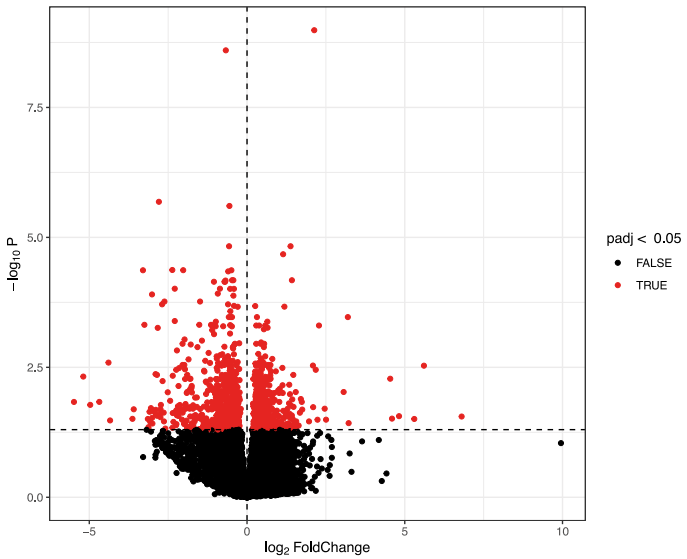
Análisis Bioinformático y Estadístico

Nuestro departamento de bioinformática cuenta con **pipelines diseñadas para personalizar cada análisis** según las necesidades del estudio, abordando:



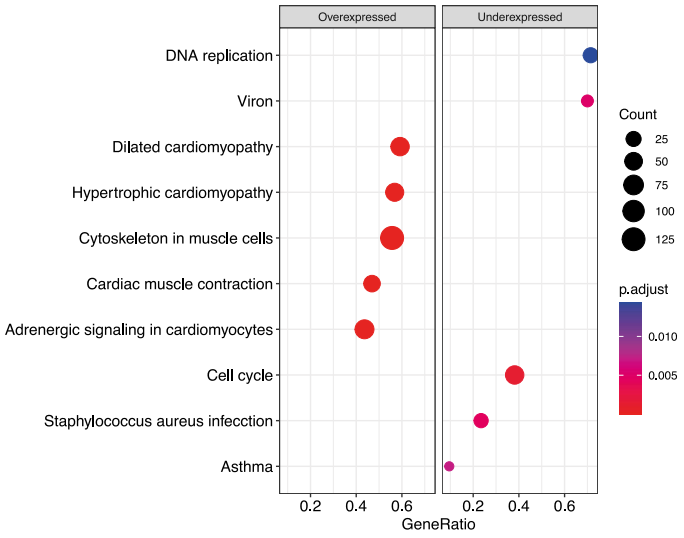
Análisis de expresión diferencial

Identificación de los genes diferencialmente expresados entre los dos grupos de estudio. El ID de los genes será acorde a la anotación disponible del genoma.



Análisis de enriquecimiento

Estudio de enriquecimiento para detectar las vías metabólicas que están sobreexpresadas o subexpresadas en los dos grupos de estudio.



Suplementos

Análisis bioinformáticos personalizados: servicio de consultoría de análisis bioinformáticos.
Incluidas 2h de análisis post-entrega en cualquier estudio completo.

© 2025 Microomics Systems S.L.